

Molekułarna Biologia Obliczeniowa

Ania Gambin aniag@mimuw.edu.pl
Paweł Górecki gorecki@mimuw.edu.pl

<http://www.mimuw.edu.pl/~aniag/semgr.html>

Interdyscyplinarne zagadnienia dot. najnowszych badań we współpracy z biologami i lekarzami

Analiza danych molekularnych

Algorytmy w bioinformatyce

Programowanie mile widziane

Zagadnienia teoretyczne

Serwery obliczeniowe naszej grupy

Opiekunowie

@, biuro

Norbert Dojer

dojer, 5570

Ania Gambin

aniag, 5660

Paweł Górecki

gorecki, 5640

Michał Startek

m.startek, 5810

Ewa Szczurek

szczurek, 5880

Jerzy Tiuryn

tiuryn, 5720

Bartek Wilczyński

bartek, 5770

Chromatyna
Drzewo Życia i Ewolucja
Genomika Porównacza
Genomy Rakowe
Grafy, Drzewa, Napisy
Regulacja Genów
Sieci Bayesowskie
Sekwencjonowanie Nowej Generacji
Obliczenia na dużych zbiorach danych
... i na małych też
Python, R, C/C++, Java
Symulacje i Modelowanie
Statystyczna analiza danych

Przykładowe prace opublikowane przy udziale studentów etapu magisterskiego

- **Piotr Jaroszyński**, Norbert Dojer
Efficient and Error-Tolerant Sequencing Read Mapping, *Current Bioinformatics* 2011
- **Michał Modzelewski**, Norbert Dojer,
MSARC: Multiple sequence alignment by residue clustering, *Algorithms for Molecular Biology* 2014
- **Julia Herman-Iżycka**, **Michał Własnowolski** and **Bartek Wilczyński**,
Taking promoters out of enhancers in sequence based predictions of tissue-specific mammalian enhancers, *BMC Medical Genomics* 2017
- **Paweł Bednarz** and **Bartek Wilczyński**,
Supervised learning method for predicting chromatin boundary associated insulator elements, *Journal of Bioinformatics and Computational Biology*, 2014
- **Bartek Wilczynski**, **Norbert Dojer**, **Mateusz Patelak** and **Jerzy Tiuryn**
Finding evolutionarily conserved cis-regulatory modules with a universal set of motifs, *BMC Bioinformatics*, 2009
- **Michał Woźniak**, **Jerzy Tiuryn** and **Janusz Dutkowski**
MODEVO: exploring modularity and evolution of protein interaction networks, *Bioinformatics* 2010
- **Kee Pang Soh**, **Ewa Szczurek**, **Thomas Sakoparnig** and **Niko Beerenwinkel**
Predicting cancer type from tumour DNA signatures, *Genome Medicine* 2017
- **Arkadiusz Betkier**, **Paweł Szczęsny**, **Paweł Górecki**
Fast Algorithms for Inferring Gene-Species Associations, *konf. ISBRA 2014 + LNCS 2014*
- **Michał Ciach**, **Anna Muszewska**, **Paweł Górecki**,
Detecting Locus Acquisition Events in Gene Trees, *WABI'17 + Algorithms for Molecular Biology* 2018
- **Dawid Dąbkowski**, **Paweł Górecki**,
Minimizing Deep Coalescence Cost, *konf. BICOB'18*



Zapraszamy!

bioputer.mimuw.edu.pl